Облікова картка ДіР

I. Загальні відомості

Державний обліковий номер: 0219U003241

Державний реєстраційний номер: 0116U004778

Особливі позначки: відкрита

Дата реєстрації: 29-01-2019

II. Етап виконання ДіР

Номер етапу: 3

Назва етапу: Створення об'єктно орієнтованого інформаційного банку генетичних послідовностей вірусів рослин України та вдосконалення тест-систем для їх молекулярної діагностики

Початок етапу: 01.2018

Закінчення етапу: 12.2018

Вид звітного документа: Остаточний звіт

III. Відомості про виконавця ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Київський національний університет імені Тараса Шевченка

Код за ЄДРПОУ: 02070944

Місцезнаходження:

Форма власності:

Сфера управління: Міністерство освіти і науки України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 239-31-88

IV. Відомості про співвиконавців ДіР

V. Відомості про замовника ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Міністерство освіти і науки України

Код за ЄДРПОУ: 38621185

Місцезнаходження: просп. Перемоги, 10, м. Київ, Київська обл., 01135, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Кабінет Міністрів України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 380444813221, 380444814763

VI. Джерела, напрями та обсяги фінансування ДіР

Підстава для проведення ДіР: 34 - договір (замовлення) з центральним органом виконавчої влади, академією наук (головними розпорядниками бюджетних коштів на проведення НДДКР)

Напрям фінансування: 2.1 - фундаментальні дослідження

Джерела фінансування

7713 - кошти держбюджету

Код програмної класифікації видатків і кредитування (КПКВК): 2201290

Фактичний обсяг фінансування (тис. грн.): 1813.8

VII. Відомості про ДіР

Назва роботи українською:

Молекулярне типування та механізми еволюційної адаптації вірусів культурної і дикорослої флори України

Назва роботи англійською:

Molecular typing and mechanisms of evolutionary adaptation of viruses of cultural and wild-growing flora of Ukraine

Реферат українською:

Об'єкти дослідження: віруси культурних та дикорослих рослин, філогенетичні властивості, еволюція, механізми адаптації, епідеміологічні фактори. Мета роботи: інформаційний банк генетичних послідовностей вірусів рослин України та вдосконалення тест-систем для їх діагностики. Методи дослідження: вірусологічні, молекулярно-біологічні, філогенетичні та статистичні методи досліджень. Відібрані ізоляти високошкодочинних вірусів культурних рослин та дикорослої флори України, вивчено їх біологічні, структурно-морфологічні та біохімічні властивості. Визначені "маркерні" послідовності геномів та створено бібліотеки кДНК виділених вірусів. Секвеновано та проведено біоінформаційний аналіз часткових та повних генетичних послідовностей вірусів. Проведено філогенетичний аналіз отриманих ампліконів та їх порівняння з відомими генетичними послідовностями. Встановлено напрями та біологічно значущі механізми мікроеволюційної адаптації українських ізолятів вірусів рослин. Оцінено епідемічний потенціал українських ізолятів вірусів рослин та вивчено його кореляцію з біотичними та абіотичними факторами. Розроблено і вдосконалено існуючі тест-системи для молекулярної діагностики окремих вірусів рослин. Створено унікальний об'єктно орієнтований інформаційний банк генетичних послідовностей вірусів рослин України.

Реферат англійською:

Research objects: viruses of cultural and wild-growing plants, phylogenetic properties, evolution, adaptation mechanisms, epidemiological factors, virus ecology. Aim of the work: data bank of genetic sequences of plant viruses from Ukraine, and improvement of test systems for their diagnostics. Research methods: methods of virology, molecular biology, phylogeny and statistics. We have collected isolates of harmful viruses infecting cultural and wild-growing plants in Ukraine, and studied their biological, structural and biochemical properties. 'Marker' genome sequences have been identified which resulted in the development of cDNA libraries of isolated viruses. Partial and full genomic sequences of certain viruses were sequenced and analyzed using bioinformatics approaches. Phylogenetic analysis of obtained amplicons and their comparison with published genetic sequences were conducted. Directions and biologically significant mechanisms of microevolutionary adaptation of Ukrainian isolates of plant viruses were established. Epidemic potential of Ukrainian isolates of plant viruses was evaluated and correllated with biotic or abiotic factors. We have developed and modified existing test systems for molecular diagnostics of certain plant viruses. Unique object-oriented data bank of genetic sequences of plant viruses isolated in Ukraine has been developed.

Індекс УДК: 578, 578

Коди тематичних рубрик: 34.25

Керівники роботи

Власне Прізвище Ім'я По-батькові: Будзанівська Ірина Генадіївна

Науковий ступінь:

Вчене звання:

Ідентифікатор ORCID ID:

Додаткова інформація:

VIII. Наукова (науково-технічна) продукція (НТП)

Назва НТП українською: Інформаційний банк генетичних послідовностей вірусів рослин України та вдосконалення тест-систем для їх діагностики

Назва НТП англійською: Data bank of genetic sequences of plant viruses from Ukraine, and improvement of test systems for their diagnostics

НТП, яку передбачалося створити:

Причини, через які НТП не було створено:

Отримані результати: молекулярно-генетичні дані

Галузь застосування: 72. Наукові дослідження та розробки

Реєстраційний номер картки технології:

Опис НТП: Відібрані ізоляти високошкодочинних вірусів культурних рослин та дикорослої флори України, вивчено їх біологічні, структурно-морфологічні та біохімічні властивості. Визначені "маркерні" послідовності геномів та створено бібліотеки кДНК виділених вірусів. Секвеновано та проведено біоінформаційний аналіз часткових та повних генетичних послідовностей вірусів. Проведено філогенетичний аналіз отриманих ампліконів та їх порівняння з відомими генетичними послідовностями. Встановлено напрями та біологічно значущі механізми мікроеволюційної адаптації українських ізолятів вірусів рослин. Оцінено епідемічний потенціал українських ізолятів вірусів рослин та вивчено його кореляцію з біотичними та абіотичними факторами. Розроблено і вдосконалено існуючі тест-системи для молекулярної діагностики окремих вірусів рослин. Створено унікальний об'єктно орієнтований інформаційний банк генетичних послідовностей вірусів рослин України.

Соціально-економічна спрямованість НТП:

Вплив НТП на довкілля:

Впровадження НТП: Впроваджено

Практична реалізація НТП

- **Початок етапу:** 2018
- **Закінчення етапу:**

Споживачі продукції: Біологія, охорона довкілля, сільське господарство, навчальний процес

Перспективні ринки: Український та світовий ринки

Характер співробітництва з інвестором

- **Потрібний обсяг інвестицій, тис. грн.:**
- **Права, що надаються інвестору після завершення роботи:**
- **Наявність бізнес-плану:**
- **Техніко-економічне обгрунтування:**
- **Потенціальний обсяг продажу, тис. грн.:**
- **Очікуваний термін окупності (років):**
- **Додаткова інформація:**

IX. Бібліографічний опис

174 наукових публікацій, з них 55 статей, 2 монографії/посібника, 3 патенти/свідоцтва

X. Заключні відомості

Керівник юридичної особи Мартинюк Віктор Семенович

Перелік осіб-виконавців

Бисов А.С.

Будзанівська І.Г.

Дуніч А.А.

Міщенко Л.Т.

Руднєва Т.О.

Снігур Г.О.

Шевченко О.В.

Шевченко Т.П.

Відповідальний за підготовку облікових документів

Телефон

Реєстратор

Керівник відділу УкрІНТЕІ, що є відповідальним за реєстрацію наукової діяльності