

Облікова картка ДіР



I. Загальні відомості

Державний обліковий номер: 0225U004875

Державний реєстраційний номер: 0121U110054

Особливі позначки: відкрита

Дата реєстрації: 22-12-2025

II. Етап виконання ДіР

Номер етапу: 2

Назва етапу: Аналаз геномних реорганізацій типу CNV в групі пацієнтів з ПРДС в яких виявлені хромосмні аберації, а також у пацієнтів в яких за результатами попередніх досліджень не було виявлено патогенні мутації. Біоінформаційний аналіз патогенності виявлених перебудов геному.

Початок етапу: 01.2022

Закінчення етапу: 12.2022

Вид звітнього документа: Проміжний звіт

III. Відомості про виконавця ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Інститут молекулярної біології і генетики Національної академії наук України

Код за ЄДРПОУ: 05417101

Місцезнаходження: вул. Академіка Заболотного, буд. 150, м. Київ, Київська обл., 03143, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Національна академія наук України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 380442000356, 380445261169

IV. Відомості про співвиконавців ДіР

V. Відомості про замовника ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Національна академія наук України

Код за ЄДРПОУ: 00019270

Місцезнаходження: вул. Володимирська, буд. 54, м. Київ, Київська обл., 01030, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Президія Національної академії наук України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 380442350981

VI. Джерела, напрями та обсяги фінансування ДіР

Підстава для проведення ДіР: 34 - договір (замовлення) з центральним органом виконавчої влади, академією наук (головними розпорядниками бюджетних коштів на проведення НДДКР)

Напрямок фінансування: 2.1 - фундаментальні дослідження

Джерела фінансування

7713 - кошти держбюджету

Код програмної класифікації видатків і кредитування (КПКВК): 6541030

Фактичний обсяг фінансування (тис. грн.): 795.981
--

VII. Відомості про ДіР

Назва роботи українською:

Молекулярно-генетичні механізми порушень статевого розвитку людини

Назва роботи англійською:

Molecular-genetic mechanisms of human disorders of sexual development

Реферат українською:

Результати. В ході проведеного дослідження було визначено природу та походження нових генетичних варіантів (мутацій) у відомих генах-детермінаторах, що призводять до порушення розвитку та диференціації статевих органів. Згідно плану, було проведено клініко-геніалогічний аналіз серед пацієнтів з порушенням розвитку і диференціації статі з різних регіонів України, включених в дослідження згідно інформованої згоди. У пацієнтів та членів їхніх родин (батьків та, за наявності, інших родичів) було отримано зразки периферійної крові та проведено виділення та очищення препаратів геномної ДНК та, за необхідності, мРНК з подальшим синтезом кДНК. В подальшому проводили молекулярно-цитогенетичний аналіз пацієнтів. У пацієнтів без хромосомних аберацій та мутацій в генах, що входять до специфічної панелі генетичних чинників порушень розвитку статі (AR, SRY, NR5A1, DMRT1) а також у батьків пацієнтів, проводилось повноекзомне секвенування. Валідацію анотованих мутантних варіантів, виявлених при повноекзомному секвенуванні, проводили методом секвенування за Сенгером. Ідентифіковано новий ген-кандидат STARD8(DLC3), мутації в якому спричиняють порушення гонадогенезу. Доведено, що мутації, які порушують функціонування С-кінцевого Start домену, кодованого білка, призводять до порушень тестикулярного розвитку в ембріогенезі. Запропоновано включити даний ген до спеціалізованої діагностичної панелі генів.

Реферат англійською:

Results. During the study, the nature and origin of new genetic variants (mutations) in known determinant genes leading to impaired development and differentiation of the genital organs were determined. According to the plan, a clinical and genealogical analysis was conducted among patients with impaired development and differentiation of the sexes from different regions of Ukraine, included in the study according to informed consent. Peripheral blood samples were obtained from patients and their family members (parents and, if available, other relatives) and genomic DNA preparations and, if necessary, mRNA were isolated and purified with subsequent cDNA synthesis. Subsequently, molecular cytogenetic analysis of patients was performed. In patients without chromosomal aberrations and mutations in genes included in the specific panel of genetic factors of disorders of sex development (AR, SRY, NR5A1, DMRT1), as well as in the parents of patients, whole-exome sequencing was performed. Validation of annotated mutant variants identified by whole-exome sequencing was performed by Sanger sequencing. A new candidate gene, STARD8(DLC3), was identified, mutations in which cause disorders of gonadogenesis. It was proven that mutations that disrupt the functioning of the C-terminal Start domain, encoded by the protein, lead to disorders of testicular development in embryogenesis. It is proposed to include this gene in a specialized diagnostic panel of genes.

Індекс УДК: 577.21, 575.1, 575.1/.2:599.9, 575.224.232:616, 57.575, 57.577

Коди тематичних рубрик: 34.15.25, 34.23.15, 34.23.39, 34.23.51

Керівники роботи

Власне Прізвище Ім'я По-батькові: Лівшиць Людмила Аврамівна

Науковий ступінь: д.б.н.

Вчене звання: професор

Ідентифікатор ORCID ID:

Додаткова інформація:

VIII. Наукова (науково-технічна) продукція (НТП)

Назва НТП українською: Дані про природу, походження та механізми залучення до патогенезу 46XY SRY+ овотестис форми дисгенезії гонад

Назва НТП англійською: Data on the nature, origin and mechanism of involvement in the pathogenesis of the 46 XY SRY+ ovotestis form of gonadal dysgenesis

НТП, яку передбачалося створити: Створено

Причини, через які НТП не було створено:

Отримані результати: Методи, теорії, гіпотези

Галузь застосування: Біологія та біохімія, Медицина, Технології медичної діагностики та лікування.

Реєстраційний номер картки технології:

Опис НТП: Отримано та опубліковано дані про новий ген-кандидат STARD8(DLC3), мутації в якому спричиняють порушення гонадогенезу. Доведено, що мутації, які порушують функціонування С-кінцевого Start домену, кодованого білка, призводять до порушень тестикулярного розвитку в ембріогенезі. Запропоновано включити даний ген до спеціалізованої діагностичної панелі генів.

Соціально-економічна спрямованість НТП: Поліпшення якості життя та здоров'я населення, ефективності діагностики та лікування хворих

Вплив НТП на довкілля:

Впровадження НТП: Інше (Популяризація результатів досліджень на профільних медичних наукових конференціях.)

Практична реалізація НТП

Початок етапу:

Закінчення етапу:

Споживачі продукції:

Перспективні ринки:

Характер співробітництва з інвестором

Потрібний обсяг інвестицій, тис. грн.:

Права, що надаються інвестору після завершення роботи:

Наявність бізнес-плану:

Техніко-економічне обґрунтування:

Потенціальний обсяг продажу, тис. грн.:

Очікуваний термін окупності (років):

Додаткова інформація:

IX. Бібліографічний опис

L.V. Popovych, A.V. Shatillo, N.B. Zelinska, L.V. Tavokina, O.V. Gorodna, G.B. Livshits, D.A. Sirokha, L.A. Livshits The Combination of Chromosomal Reorganization and Inherited Point Mutation Has Led to the Development of a Rare Clinical Phenotype in a Patient with Disorder of Sex Differentiation and Neuromuscular Pathology. // ISSN 0095-4527, Cytology and Genetics, 2022, Vol. 56, No. 5, pp. 417–422. © Allerton Press, Inc., 2022. doi: 10.3103/S0095452722050097

X. Заклучні відомості

Керівник юридичної особи

Тукало Михайло Арсентійович
д.б.н., 03.00.03

Перелік осіб-виконавців

Городна Олександра Володимирівна

Дзьобак Андрій Володимирович

Кріль Наталія Миколаївна

Лівшиць Ганна Борисівна

(к. б. н., 03.00.22)

Назаренко Юлія Володимирівна

Нечипоренко Марина Володимирівна

(к. б. н., 03.00.22)

Сіроха Дмитро Андрійович

Відповідальний за підготовку облікових документів

Санченко Ольга Миколаївна

Телефон

+380442000326

Реєстратор

Юрченко Тетяна Анатоліївна

Керівник відділу УкрІНТЕІ, що є відповідальним за реєстрацію наукової діяльності



Юрченко Тетяна Анатоліївна