Облікова картка ДіР

I. Загальні відомості

Державний обліковий номер: 0220U101255

Державний реєстраційний номер: 0117U000378

Особливі позначки: відкрита

Дата реєстрації: 07-02-2020

II. Етап виконання ДіР

Номер етапу: 1

Назва етапу: Розробка геномних підходів для встановлення генетичного різноманіття рідкісних та ендемічних видів рослин і тварин.

Початок етапу: 01.2017

Закінчення етапу: 12.2017

Вид звітного документа: Остаточний звіт

III. Відомості про виконавця ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Державний вищий навчальний заклад "Ужгородський національний університет"

Код за ЄДРПОУ: 02070832

Місцезнаходження: вул. Підгірна, 46, м. Ужгород, Ужгородський р-н., Закарпатська обл., 88000, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Міністерство освіти і науки України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 380312613321, 380312613396

IV. Відомості про співвиконавців ДіР

V. Відомості про замовника ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Міністерство освіти і науки

Код за ЄДРПОУ: 37536162

Місцезнаходження: пр-т Перемоги, 10, м. Київ, Київ, 01135, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Кабінет Міністрів України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 406-82-00, 406-83-80

VI. Джерела, напрями та обсяги фінансування ДіР

Підстава для проведення ДіР: 34 - договір (замовлення) з центральним органом виконавчої влади, академією наук (головними розпорядниками бюджетних коштів на проведення НДДКР)

Напрям фінансування: 2.1 - фундаментальні дослідження

Джерела фінансування

7713 - кошти держбюджету

Код програмної класифікації видатків і кредитування (КПКВК): 2201040

Фактичний обсяг фінансування (тис. грн.): 600

VII. Відомості про ДіР

Назва роботи українською:

Розробка геномних підходів для встановлення генетичного різноманіття рідкісних та ендемічних видів рослин і тварин.

Назва роботи англійською:

Developing of genomic principles to establish genetic diversity of rare and endemic species of plants and animals.

Реферат українською:

Реалізацією проекту закладено початок процесу документування геномного різноманіття в Україні. Здійснено збір зразків зі всіх відомих в Україні природних локалітетів M. transsilvanicum (з них три виявлені вперше), екстраговано ДНК у 16 особин (по дві з кожної популяції). Виконано пошук гнізд та вперше отримано унікальні зразки (пір'їн з за¬лишками крові) та екстраговану ДНК від 35 пташенят C. nigra з природних популяцій України та, з метою порівняння, чотирьох пташенят C. ciconia.

Реферат англійською:

The implementation of the project marks the beginning of the process of documenting genomic diversity in Ukraine. Samples were collected from all known in Ukraine natural localities of M. transsilvanicum (three of which were first discovered), DNA was extracted from 16 individuals (two from each population). For the first time nest searches were performed and unique samples (feathers with the rest of blood) were obtained as well as DNA from 35 C. nigra chicks from natural populations of Ukraine and, for comparison, DNA from four C. ciconia chicks were extracted.

Індекс УДК: 575.113, 575.113.088

Коди тематичних рубрик: 62.37.99.15

Керівники роботи

Власне Прізвище Ім'я По-батькові: Кіш Роман Ярославович

Науковий ступінь:

Вчене звання:

Ідентифікатор ORCID ID:

Додаткова інформація:

VIII. Наукова (науково-технічна) продукція (НТП)

Назва НТП українською: Повногеномне секвенування, збірка, анотація двох геномів рідкісних та ендемічних видів України – C. ciconia і M. Transsilvanicum

Назва НТП англійською: Full-genome sequencing, assembly, abstract of two genomes of rare and endemic species of Ukraine - C. ciconia and M. Transsilvanicum

НТП, яку передбачалося створити:

Причини, через які НТП не було створено:

Отримані результати: Методи, теорії

Галузь застосування: 1 03.00.03 молекулярна біологія

Реєстраційний номер картки технології:

Опис НТП: Вперше в Україні здійснений селективний підбір технологій для повногеномного секвенування (відібрано дві найбільш ефективні на сьогодні платформи секвенування наступного покоління Illumina HiSeq та BGISeq500) та з метою вивчення між- та внутрішньо-популяційної геномної мінливості розроблений оптимальний та ефективний пакет програмного забезпечення для аналізу, фільтрування та інтерпретації геномної інформації, збору геному конкретного виду. Здійснено повногеномне секвенування, збірку та анотацію двох геномів – C. ciconia (розмір генома 1.62 Гб) і M. transsilvanicum (розмір генома 4.95 Гб). Проаналізовано якість секвенування і визначено структурні елементи обидвох геномів, ідентифіковано та виключено фрагменти, що не мають функціонального значення. Отримана збірка є доступною для поповнення і уточнення інформації, яка буде вдосконалюватися шляхом залучення додаткових даних.

Соціально-економічна спрямованість НТП: Поліпшення стану навколишнього середовища

Вплив НТП на довкілля:

Впровадження НТП: Не впроваджено

Практична реалізація НТП

Початок етапу:

Закінчення етапу:

Споживачі продукції:

Перспективні ринки:

Характер співробітництва з інвестором

Потрібний обсяг інвестицій, тис. грн.:

Права, що надаються інвестору після завершення роботи: Права не надаються

Наявність бізнес-плану: Ні

Техніко-економічне обгрунтування: Ні

Потенціальний обсяг продажу, тис. грн.:

Очікуваний термін окупності (років):

Додаткова інформація:

IX. Бібліографічний опис

Vondrak J., Malicek J., Palice Z., Bouda F., Berger F., Sanderson N., Acton A., Pouska V., Kish R. Exploiting hot-spots; effective determination of lichen diversity in a Carpathian virgin forest // PLoS ONE.– 2018. – 13, 9. – P. 1-19. https://journals.plos.org/plosone/article?id=10.1371/journal.pone.0203540 DOI:10.1371/journal.pone.0203540

Kolchanova S., Kliver S., Komissarov A., Dobrinin P., Tamazian G., Grigorev K., Wolfsberger W.W., Majeske A.J., Velez-Valentin J., Valentin de la Rosa R., Paul-Murphy J.R., Sanchez-Migallon Guzman D., Court M.H., Rodriguez-Flores J.L., Martinez-Cruzado J.K., Oleksyk T.K. Genomes of Three Closely Related Caribbean Amazons Provide Insight for Species History and Conservation // Genes. – 2019. – 10(1), 54 – P. 1-17. https://doi.org/10.3390/genes10010054

X. Заключні відомості

Керівник юридичної особи Студеняк Ігор Петрович
д. ф.-м. н.

Перелік осіб-виконавців

Будніков Геннадій Борисович
(к. б. н.)

Волфсбергер Валтер Валтерович

Олексик Тарас Хомич
(к. б. н.)

Відповідальний за підготовку облікових документів Фречка Н.І.

Телефон +38 (050) 148-61-31

Реєстратор

Керівник відділу УкрІНТЕІ, що є відповідальним за реєстрацію наукової діяльності

