

Облікова картка ДіР



I. Загальні відомості

Державний обліковий номер: 0216U007409

Державний реєстраційний номер: 0114U000774

Особливі позначки: відкрита

Дата реєстрації: 28-11-2016

II. Етап виконання ДіР

Номер етапу: 2

Назва етапу: Дослідження рівня метилування генів GH5R, DKK4, SFRP5 і TUSC5 як біомаркерів для диференціальної діагностики гіперпроліферативних та онкологічних захворювань ендометрія та матки.

Початок етапу: 01.2016

Закінчення етапу: 12.2016

Вид звітнього документа: Остаточний звіт

III. Відомості про виконавця ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Одеський національний медичний університет

Код за ЄДРПОУ: 02010801

Місцезнаходження:

Форма власності:

Сфера управління: Міністерство охорони здоров'я України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 7165636

IV. Відомості про співвиконавців ДіР

V. Відомості про замовника ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Міністерство охорони здоров'я України

Код за ЄДРПОУ: 00012925

Місцезнаходження: вул. Грушевського, 7, м. Київ, Київ, 01021, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Кабінет Міністрів України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 380442536194

VI. Джерела, напрями та обсяги фінансування ДіР

Підстава для проведення ДіР: 43 - власна ініціатива (якщо робота виконується з власної ініціативи за кошти виконавця НДР або безкоштовно)

Напрямок фінансування: 2.2 - прикладні дослідження і розробки

Джерела фінансування

7713 - кошти держбюджету

Код програмної класифікації видатків і кредитування (КПКВК): 2301050

Фактичний обсяг фінансування (тис. грн.): 300
--

VII. Відомості про ДіР

Назва роботи українською:

Роль епігенетичної модифікації генів Wnt регуляторного шляху (GHSR, TUSC5, WIF1, DKK4 і SFRP5) в диферен-ціальній діагностиці гіперпроліферативних та неопластичних процесів молочної залози і матки

Назва роботи англійською:

The role of epigenetic modification of Wnt gene regulatory pathways (GHSR, TUSC5, WIF1, DKK4 and SFRP5) in the differential diagnosis of hyperproliferative and neoplastic processes of breast and uterus.

Реферат українською:

проведено дослідження рівня метилування генів GHSR, DKK4, SFRP5 і TUSC5 як біомаркерів для диференціальної для диференціальної діагностики гіперпроліферативних та онкологічних захворювань молочної залози та ендометрія. В результаті проведеної роботи доведено достовірну відмінність вмісту метилування ДНК генів GHSR, TUSC5 і SFRP5 у зразках тканини раку ендометрія та молочної залози в порівнянні з доброякісними тканинами і нормальною тканиною молочної залози та ендометрія. Метилування промоторів генів WIF1 та DKK4 у зразках тканини раку молочної залози в порівнянні з доброякісними процесами і нормальною тканиною молочної залози також було достовірним. Метилування промоторів генів WIF1 та DKK4 у зразках тканини раку ендометрія в порівнянні з доброякісними процесами ендометрія і нормальною тканиною ендометрія було не достовірним. У додаткових дослідженнях було показано достовірну відмінність вмісту метилування ДНК гену SFRP2 у зразках тканини раку ендометрія в порівнянні з доброякісними процесами ендометрія і нормальною тканиною ендометрія.

Реферат англійською:

investigated level of methylation of genes GHSR, DKK4, SFRP5 and TUSC5 a biomarker for the differential diagnosis of hyperproliferative diseases and cancer of the endometrium. As a result of this work proved significant difference between the content of DNA methylation genes GHSR, TUSC5 and SFRP5 in breast cancer tissue samples and endometrium compared with benign tissue and normal tissue of breast and endometrium. Promoter methylation and gene WIF1 DKK4 in breast cancer tissue samples compared to normal and benign processes breast tissue was also significant. The methylation of gene promoters and WIF1 DKK4 in the samples compared with benign processes endometrial tissue of endometrial cancer and normal endometrial tissue was not significant. In additional studies it was shown significant difference content of methylated DNA in gene SFRP2 tissue samples of endometrial cancer in comparison with benign endometrial tissue and normal endometrium.

Індекс УДК: 618, 618.19-006.6:618.14-006.6:575.174.015.3

Коди тематичних рубрик: 76.29.48

Керівники роботи

Власне Прізвище Ім'я По-батькові: Запорожан Валерій Миколайович 523/14-16

Науковий ступінь:

Вчене звання:

Ідентифікатор ORCID ID:

Додаткова інформація:

VIII. Наукова (науково-технічна) продукція (НТП)

Назва НТП українською: Роль епігенетичної модифікації генів Wnt регуляторного шляху (GHSR, TUSC5, WIF1, DKK4 і SFRP5) в диференціальній діагностиці гіперпроліферативних та неопластичних процесів молочної залози і матки

Назва НТП англійською: The role of epigenetic modification of Wnt gene regulatory pathways (GHSR, TUSC5, WIF1, DKK4 and SFRP5) in the differential diagnosis of hyperproliferative and neoplastic processes of breast and uterus.

НТП, яку передбачалося створити:

Причини, через які НТП не було створено:

Отримані результати:

Галузь застосування: медицина

Реєстраційний номер картки технології:

Опис НТП: проведено дослідження рівня метилування генів GHSR, DKK4, SFRP5 і TUSC5 як біомаркерів для диференціальної для диференціальної діагностики гіперпроліферативних та онкологічних захворювань молочної залози та ендометрія. В результаті проведеної роботи доведено достовірну відмінність вмісту метилування ДНК генів GHSR, TUSC5 і SFRP5 у зразках тканини раку ендометрія та молочної залози в порівнянні з доброякісними тканинами і нормальною тканиною молочної залози та ендометрія. Метилування промоторів генів WIF1 та DKK4 у зразках тканини раку молочної залози в порівнянні з доброякісними процесами і нормальною тканиною молочної залози також було достовірним. Метилування промоторів генів WIF1 та DKK4 у зразках тканини раку ендометрія в порівнянні з доброякісними процесами ендометрія і нормальною тканиною ендометрія було не достовірним. У додаткових дослідженнях було показано достовірну відмінність вмісту метилування ДНК гену SFRP2 у зразках тканини раку ендометрія в порівнянні з доброякісними процесами ендометрія

Соціально-економічна спрямованість НТП:

Вплив НТП на довкілля:

Впровадження НТП: Впроваджено

Практична реалізація НТП

Початок етапу: 2016

Закінчення етапу:

Споживачі продукції: медичні установи

Перспективні ринки: Україна

Характер співробітництва з інвестором

Потрібний обсяг інвестицій, тис. грн.:

Права, що надаються інвестору після завершення роботи:

Наявність бізнес-плану:

Техніко-економічне обґрунтування:

Потенціальний обсяг продажу, тис. грн.:

Очікуваний термін окупності (років):

Додаткова інформація:

ІХ. Бібліографічний опис

1.GHSR DNA hypermethylation is a common epigenetic alteration of high diagnostic value in a broad spectrum of cancer/E.Moskalev, P.Jandaghi, V.Bubnov [et al.] //Oncotarget. Feb 28, 2015. 6(6). P.4418-4427. 2.

Аденокарцинома ендометрія не пов'язана з гіперметилированием гена WIF1/В.Н.Запорожан, В.В. Бубнов, В.Г. Маричереда [та ін] //Досягнення біології та медицині.2015. N 2. С.12-19.

Х. Заключні відомості

Керівник юридичної особи

Запорожан Валерій Миколайович

Перелік осіб-виконавців

Бубнов Владимир Вячеславович

Запорожан Валерий Николаевич

Маричереда Валерія Геннадієвна

Поклад Ганна Георгіївна

**Відповідальний за підготовку
облікових документів**

Телефон

Реєстратор

**Керівник відділу УкрІНТЕІ, що є
відповідальним за реєстрацію наукової
діяльності**

