Облікова картка ДіР

Image not found or type unknow

I. Загальні відомості

Державний обліковий номер: 0225U004179

Державний реєстраційний номер: 0123U102920

Особливі позначки: відкрита

Дата реєстрації: 21-11-2025

II. Етап виконання ДіР

Номер етапу: 1

Назва етапу: Дослідження молекулярно-генетичні особливостей епізоотичних штамів мікроорганізмів різних таксономічних груп та порівняти їх з виробничими й еталонними штамами

Початок етапу: 06.2023

Закінчення етапу: 12.2025

Вид звітного документа: Остаточний звіт

III. Відомості про виконавця ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Державний науково-контрольний інститут біотехнології і штамів мікроорганізмів

Код за ЄДРПОУ: 19024865

Місцезнаходження: вул. Донецька, буд. 30, м. Київ, 03151, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Державна служба України з питань безпечності харчових продуктів та захисту споживачів

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 380442457608, 380442457684

IV. Відомості про співвиконавців ДіР

V. Відомості про замовника ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Державний науково-контрольний інститут біотехнології і штамів мікроорганізмів

Код за ЄДРПОУ: 19024865

Місцезнаходження: вул. Донецька, буд. 30, м. Київ, 03151, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Державна служба України з питань безпечності харчових продуктів та захисту споживачів

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 380442457608

VI. Джерела, напрями та обсяги фінансування ДіР

Підстава для проведення ДіР: 43 - власна ініціатива (якщо робота виконується з власної ініціативи за кошти виконавця НДР або безкоштовно)

Напрям фінансування: 2.2 - прикладні дослідження і розробки

Джерела фінансування

7704 - власні кошти, кошти підприємств, установ, організацій, фізичної особи на виконання ініціативних робіт

Фактичний обсяг фінансування (тис. грн.): 3900.000

VII. Відомості про ДіР

Назва роботи українською:

Дослідити молекулярно-генетичні особливості епізоотичних штамів мікроорганізмів різних таксономічних груп та порівняти їх з виробничими й еталонними штамами

Назва роботи англійською:

Investigate the molecular genetic properties of epizootic strains of microorganisms of different taxonomic groups and compare them with production and reference strains

Реферат українською:

Проведено комплекс досліджень, спрямованих на встановлення наявності та розповсюдженість серед бактерій роду Salmonella spp. факторів резистентності щодо антибактеріальних препаратів групи бета-лактамів та фторхінолонів. Встановлені генотипові маркери стійкості сальмонел до даних груп препаратів. Визначені генотипові та фенотипові профілі резистентності. Виявлено наявність серед сальмонел стійких мобільних геномних структур – інтегронів, геномних острівців, які є носіями генів антибіотикорезистетності касетної організації. Розроблена методологія виявлення резистентних форм бактерій роду Salmonella до фторхінолонів та бета-лактамів за допомогою молекулярно-генетичних методів. Колекція сальмонел поповнена 133 польовими зразками різних джерел походження. Проаналізовано епізоотичну ситуацію щодо вірусної геморагічної хвороби кролів в світі та Україні. Встановлено, що починаючі з 2015 році вірус RHDV2 набуває значного поширення в країнах Європи та Північної Америки, як наслідок, встановлено домінування означеного генотипу над вірусом RHDV1. Впродовж останніх п'яти років в Україні вірус другого типу (GI. 2) був менш поширений при реєстрації захворювання та викликав епізоотичні спалахи хвороби майже в 2 рази рідше ніж консервативний генотип збудника. При цьому RHDV2 (GI. 2) циркулював переважно у центральних та північних областях України, тоді як RHDV (GI. 1) був відносно рівномірно поширений на території всієї країни. За результатами дослідження зразків патологічного матеріалу від загиблих кролів в 81,25% виявлено генетичний матеріал вірусу, з яких RHDV1 було ідентифікований в 43,75 %. Зразки, в яких ідентифіковано генетичний матеріал RHDV1a (25,0 %), підготовлено до подальшого секвенування. Проведене відновлення інфекційної активності та напрацювання вірусу RHDV2 штам «ТА14» на кролях. Отримано 80 см3 10 % суспензії вірусу з активністю 4,66 lg LD 50/см3, яка буде використана в подальших наукових дослідженнях.

Реферат англійською:

A complex of studies was conducted to establish the presence and prevalence of resistance factors to antibacterial drugs of the beta-lactam and fluoroquinolone groups among bacteria of the genus Salmonella spp. Genotypic markers of resistance of Salmonella to these groups of drugs were established. Genotypic and phenotypic resistance profiles were determined. The presence of resistant mobile genomic structures among Salmonella was revealed - integrons, genomic islands, which are carriers of antibiotic resistance genes of the cassette organization. A methodology for detecting resistant forms of Salmonella bacteria to fluoroquinolones and beta-lactams using molecular genetic methods was developed. The collection of Salmonella was supplemented with 133 field samples of various sources of origin. The epizootic situation regarding Rabbit Hemorrhagic Diseas in the world and Ukraine was analyzed. It was found that starting from 2015, the virus has become widespread in Europe and North America. Over the past five years, the second type of virus (GI. 2) has been less common in Ukraine when registering the disease and has caused epizootic outbreaks of the disease almost 2 times less often than the conservative genotype of the pathogen. At the same time, RHDV2 (GI. 2) circulated mainly in the central and northern regions of Ukraine, while RHDV (GI. 1) was relatively evenly distributed throughout the country. According to the results of the study of pathological material samples from dead rabbits, genetic material of the virus was detected in 81.25%, of which RHDV1 was identified in 43.75%. Samples in which genetic material RHDV1a (25.0%) was identified were prepared for further sequencing. The infectious activity and development of the

RHDV2 strain "TA14" virus in rabbits were restored. 80 cm3 of a 10% virus suspension with an activity of 4.66 lg LD 50/cm3 was obtained, which will be used in further scientific research.

Індекс УДК: 577.2, 619:578, 619:579.62

Коди тематичних рубрик: 34.15, 68.41.32, 68.41.35

Керівники роботи

Власне Прізвище Ім'я По-батькові: Ареф'єв Василь Львович

Науковий ступінь: к. вет. н.

Вчене звання:

Ідентифікатор ORCID ID:

Додаткова інформація:

VIII. Наукова (науково-технічна) продукція (НТП)

Назва НТП українською: Методологія виявлення резистентних форм бактерій роду Salmonella до фторхінолонів та бета-лактамів за допомогою молекулярно-генетичних методів

Назва НТП англійською: Methodology for detecting resistant forms of Salmonella bacteria to fluoroquinolones and beta-lactams using molecular genetic methods

НТП, яку передбачалося створити: Створено

Причини, через які НТП не було створено:

Отримані результати: Методичні документи

Галузь застосування: Для лабораторій ветеринарної медицини, фахівців бактеріологів, науковців

Реєстраційний номер картки технології:

Опис НТП: Надана послідовність відбору та підготовки зразків, їх аналізу та інтерпретації результатів при виявленні геномних маркерів антибіотикорезистентності бактерій роду Salmonella до антибактеріальних засобів з використанням класичної полімеразної ланцюгової реакції. Методологія призначена для мікробіологів, спеціалістів в галузі молекулярної діагностики та ветеринарної медицини, які працюють у діагностичних та науково-дослідних лабораторіях.

Соціально-економічна спрямованість НТП: Поліпшення якості життя та здоров'я населення, ефективності діагностики та лікування хворих

Вплив НТП на довкілля:

Впровадження НТП: Не впроваджено

Практична реалізація НТП

Початок етапу:

Закінчення етапу:

Споживачі продукції:

Перспективні ринки:

Характер співробітництва з інвестором

Потрібний обсяг інвестицій, тис. грн.:

Права, що надаються інвестору після завершення роботи:

Наявність бізнес-плану:

Техніко-економічне обгрунтування:

Потенціальний обсяг продажу, тис. грн.:

Очікуваний термін окупності (років):

Додаткова інформація:

IX. Бібліографічний опис

Напненко О.О. Гордієнко О.І. Дерябін О.М. Мандзя І.М. Безвін Є.І. Генотипування вірусу геморагічної хвороби кролів методом полімеразної ланцюгової реакції // Кролівництво і хутрове звірівництво: проблеми,

перспективи та інновації/ Матеріали міжнародної науково-практичної онлайн-конференції (24 березня 2023 року). Черкаська дослідна станція біоресурсів НААН – Черкаси - 2023.. – с. 73-77

Ареф'єв В.Л., Напненко О.О., Дідик Т.Б. Ефективність використання різних методів геномного фінгерпринтингу для контролю за клональним розповсюдженням штамів сальмонел // Матеріали Міжнародної науково-практичної конференції «Біотехнологія та її роль в забезпеченні здоров'я людей і тварин»: зб. Наук.пр. / Редкол: Головко А.М. (голова) та ін. – Ніжин: ПП Лисенко М.М., 2023 – с. 92-93

X. Заключні відомості

Керівник юридичної особи — Уховський Віталій Вікторович, д. вет. н., 16.00.03

Перелік осіб-виконавців

Безвін Євген Іванович

Болотін Віталій Ігорович
(к. вет. н., ст.н.с., 16.00.03)

Кордупель Назарій Романович

Корнєйков Олександр Миколайович
(к. вет. н., с.д., 16.00.03)

Небещук Олександр Дмитрович
(к. вет. н., 16.00.03)

Родіна Яна Анатоліївна

Сичова Олена Володимирівна

Шевель Юлія Володимирівна

Відповідальний за підготовку облікових документів — Болотін Віталій Ігорович

Телефон

Реєстратор — Юрченко Тетяна Анатоліївна

Керівник відділу УкрІНТЕІ, що є відповідальним за реєстрацію наукової діяльності — Юрченко Тетяна Анатоліївна

