

Облікова картка ДіР



I. Загальні відомості

Державний обліковий номер: 0214U006170

Державний реєстраційний номер: 0113U002151

Особливі позначки: відкрита

Дата реєстрації: 14-02-2014

II. Етап виконання ДіР

Номер етапу: 1

Назва етапу: Встановити значення генетичних та хромосомних аномалій в пухлинних клітинах нейробластоми в якості маркерів прогнозування перебігу захворювання

Початок етапу: 01.2013

Закінчення етапу: 12.2013

Вид звітного документа: Проміжний звіт

III. Відомості про виконавця ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Національний інститут раку

Код за ЄДРПОУ: 02011976

Місцезнаходження:

Форма власності:

Сфера управління: Міністерство охорони здоров'я України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: (044)259-01-86, (044)259-02-73

IV. Відомості про співвиконавців ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Інститут молекулярної біології і генетики НАН України

Код за ЄДРПОУ: 05417101

Місцезнаходження:

Форма власності:

Сфера управління:

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон:

Внесок співвиконавця у звітний етап:

V. Відомості про замовника ДіР

Повне найменування юридичної особи (або ПІБ фізичної особи): Міністерство охорони здоров'я України

Код за ЄДРПОУ: 00012925

Місцезнаходження: вул. Грушевського, 7, м. Київ, Київ, 01021, Україна

Форма власності:

Сфера управління: Кабінет Міністрів України

Ідентифікатор ROR: Не застосовується

Розмір організації:

Телефон: 380442536194

VI. Джерела, напрями та обсяги фінансування ДіР

Підстава для проведення ДіР: 34 – договір (замовлення) з центральним органом виконавчої влади, академією наук (головними розпорядниками бюджетних коштів на проведення НДДКР)

Напрямок фінансування: 2.1 – фундаментальні дослідження

Джерела фінансування

7713 – кошти держбюджету

Код програмної класифікації видатків і кредитування (КПКВК): 2301020

Фактичний обсяг фінансування (тис. грн.): 390.8
--

VII. Відомості про ДіР

Назва роботи українською:

Дослідити на генетичному та епігенетичному рівнях ознаки прогресії нейробластоми та визначити нові маркери прогнозу перебігу захворювання у дітей

Назва роботи англійською:

Investigate the genetics and epigenetic mechanisms of neuroblastoma progression and determine factors of the disease prognosis in children

Реферат українською:

Об'єкт дослідження - біологічний матеріал 294 хворих з верифікованим діагнозом нейробластома. Мета роботи - дослідити генетичні та хромосомні аномалії в пухлинних клітинах нейробластоми та встановити їхнє значення в прогнозуванні перебігу захворювання. Методи дослідження - молекулярно-генетичні, молекулярно-цитогенетичні, проточноцитометричні, морфологічні, біохімічні, статистичні. Апаратура - 7500 Real-Time PCR Systems фірми "Applied Biosystems", США; проточний цитофлюориметр FACS Calibur "Becton Dickinson", США; флуоресцентний мікроскоп Imager.M1 "Axio Zeiss", Німеччина; ваги WPS, центрифуга ОПНЗ-УХЛ. Встановлено, що ризик розвитку нейробластоми залежить від успадковано поліморфного варіанту гену MTHFR, та є у 3 рази вищим у осіб з генотипом T677T. Виявлено, що поліморфізм даного гену не має самостійного прогностичного значення для оцінки перебігу захворювання та відповіді на терапію у хворих на нейробластоми. Одержані результати свідчать про те, що підвищений рівень експресії гена MDM2, делеція ділянки хромосоми 1p36 та диплоїдний статус пухлини мають значення для прогнозування перебігу нейробластоми та можуть бути рекомендовані до включення до молекулярно-генетичного компоненту системи стратифікації хворих на нейробластоми за групами ризику. Проведені дослідження свідчать про перспективність послідовних досліджень у цьому напрямку, зокрема, із охопленням епігенетичних механізмів регуляції генів при нейробластомі.

Реферат англійською:

Object - biological material of 294 patients with histologically confirmed neuroblastoma disease. Goal - Investigate the genetics and epigenetic mechanisms of neuroblastoma progression and determine factors of the disease prognosis in children. Methods - molecular-genetic, cytogenetics, multi-color flow cytometry, morphological, biochemical, statistical. Equipment - 7500 Real-Time PCR Systems "Applied Biosystems" (USA), flow cytometer FACSCalibur "Becton Dickinson"(USA), fluorescence microscope Imager M1 "Axio Zeiss" (Germany), centrifuges "ОПН-3", scales WPS. It was established that the risk of neuroblastoma depends on inherited polymorphic variants of the MTHFR gene. We observed a threefold significant increase of neuroblastoma risk in individuals with T677T genotype. It was found that MTHFR C677T gene polymorphism has no independent prognostic value for clinical outcome of the disease and response to therapy in patients with neuroblastoma. The obtained results suggest that increased level of MDM2 gene expression, chromosome 1p36 deletion and tumor diploid status are important markers of neuroblastoma prognosis. Defined markers could be included in molecular-genetic component of stratification system of neuroblastoma patients. The obtained results suggest that subsequent research in this area are very promising, especially epigenetic mechanisms of gene regulation.

Індекс УДК: 616-006, 616-006.48-039.36-037-053.2:575.24

Коди тематичних рубрик: 76.29.49

Керівники роботи

Власне Прізвище Ім'я По-батькові: Храновська Наталя Миколаївна

Науковий ступінь:

Вчене звання:

Ідентифікатор ORCID ID:

Додаткова інформація:

VIII. Наукова (науково-технічна) продукція (НТП)

Назва НТП українською: Комплекс методик для дослідження генетичних мутацій та хромосомних аберацій в пухлинних клітинах нейробластоми.

Назва НТП англійською: Complex of methods for genetic mutations and chromosomal aberrations detection in neuroblastoma cells

НТП, яку передбачалося створити:

Причини, через які НТП не було створено:

Отримані результати:

Галузь застосування: онкологія

Реєстраційний номер картки технології:

Опис НТП: Досліджено генетичні мутації та хромосомні аномалії в пухлинних клітинах нейробластоми. Встановлено, що ризик розвитку нейробластоми залежить від успадкованого поліморфного варіанту гена MTHFR. Також встановлено, що підвищений рівень експресії гена MDM2, делеція ділянки хромосоми 1p36 та диплоїдний статус пухлини мають значення для прогнозування перебігу нейробластоми та можуть бути рекомендовані для включення до молекулярно-генетичного компоненту системи страфікації хворих на нейробластому за групами ризику.

Соціально-економічна спрямованість НТП:

Вплив НТП на довкілля:

Впровадження НТП: Не впроваджено

Практична реалізація НТП

Початок етапу: 2013-2015

Закінчення етапу:

Споживачі продукції: Національний інститут раку та лікувальні профільні заклади України

Перспективні ринки: Лікувальні профільні заклади України

Характер співробітництва з інвестором

Потрібний обсяг інвестицій, тис. грн.:

Права, що надаються інвестору після завершення роботи:

Наявність бізнес-плану:

Техніко-економічне обґрунтування:

Потенціальний обсяг продажу, тис. грн.:

Очікуваний термін окупності (років):

Додаткова інформація:

IX. Бібліографічний опис

1. Khranovska N.M. Role of miRNAs in neuroblastoma pathogenesis / N.M. Khranovska, M.V. Inomistova, G.I. Klymnyuk // Clinical Oncology. - 2013. - N1(9). - P.145-148. 2. Вплив біологічних властивостей пухлини на перебіг захворювання у дітей хворих на нейробластоми / Н.М. Храновська, О.В. Скачкова, Н.М. Свергун [та ін.] // український журнал клінічної та лабораторної медицини. - 2013. - №4. - С.19-22. 3. Застосування тандемної трансплантації стовбурових клітин периферичної крові при лікуванні дітей з нейробластомою / Г.І. Климнюк, С.В. Павлик, Е.В. Шайда, Н.М. Храновська, О.В. Скачкова // Клінічна онкологія. - 2013. - №3(11). - С.1-3.

X. Заключні відомості

Керівник юридичної особи

Щепотін Ігор Борисович

Перелік осіб-виконавців

Іонкіна Н.В.

Свергун Н.М.

Скачкова О.В.

Храновська Н.М.

Відповідальний за підготовку

облікових документів

Телефон

Реєстратор

**Керівник відділу УкрІНТЕІ, що є
відповідальним за реєстрацію наукової
діяльності**

